СВЕТЛИЧКИН ОЛЕГ ВЯЧЕСЛАВОВИЧ

РАЗРАБОТКА МЕТОДОВ И ТЕСТ-СИСТЕМ УСКОРЕННОЙ ИНДИКАЦИИ YERSINIA ENTEROCOLITICA В КОРМАХ И МЯСНЫХ ПРОДУКТАХ НА ОСНОВЕ ДНК-ДИАГНОСТИКИ

16.00.06 - ветеринарная санитария, экология, зоогигиена и ветеринарно-санитарная экспертиза

АВТОРЕФЕРАТ

диссертации на соискание ученой степени кандидата биологических наук

	ственном научном учреждении
Всероссийском научно-исследовательск	
санитарии, гигиены и экологии Россельхоз (ГНУ ВИИИ13СГЭ РАСХН)	академии -
Научный руководитель: -кандидат биологический наук А.	Б. Кононенко (ГНУ ВНИИВСГЭ)
Официальные оппоненты: -заслуженный деятель науки РФ	
доктор ветеринарных наук, профессор	М.П. Бутко (ГНУ ВНИИВСГЭ)
-кандидат биологических наук	А.М. Лысенко
	(Институт микробиологии РАМ)
Ведущая организации: Московский прикладной биотехнологии (МГУПБ)	государственный университет
Защита состоится «»_ заседании диссертационного совета Д 006 научно-исследовательском институте ветер экологии (123022, г. Москва, Звенигородск	ринарной санитарии, гигиены и
С диссертацией можно ознакомиться в научно-исследовательского института ветер экологии.	
Автореферат разослан «»	2004 г.
Ученый секретарь	F.C. Майстренко

1. ОБШАЯ ХАРАКТЕРИСТИКА РАБОТЫ

<u>Актуальность темы</u>. Обеспечение населения высококачественной и безопасной продукцией животноводства является актуальной задачей современности. Эта актуальность обусловлена возрастанием экологического неблагополучия под действием различных факторов, приводящих к контаминации производств и продукции опасными для здоровья человека и животных возбудителями заболеваний.

Получение высококачественной животноводческой продукции тесно связано с созданием эффективной системы ветеринарно-санитарпого контроля всей «пищевой цепи» - от кормов до готовой продукции.

Микробиологические критерии традиционно являются одним из • главных показателей безопасности животноводческой продукции.

В последнее время все более актуальной проблемой становится индикация возбудителей кишечного иерсиниоза. Это заболевание регистрируется по всей территории Российской Федерации и в других странах. По данным ряда исследователей, кишечный нерсиниш по значимости среди пищевых зоонозов занимает второе место после сальмопеллеза (Ющенко Г.В. и др., 1993; Кононенко А.Б. и др., 2003; Basselt M. L. et al., 1990).

Возбудителем кишечного иерспниоза является Y. enterocolitica. Иерсинии выделяют от грызунов, свиней, коров, диких животных и птицы, значительно реже от рыб, моллюсков.

Бактерии Y. enterocolitica встречаются в овощах, корнеплодах, зеленых кормах, в молоке.

может быть контамннировано Мясо процессе убоя И разделки животных-бактерионосителей. В последнее время серьезное значение в инфицировании иерсиниямп приобретает водный фактор. Ү. enterocolitica часто выделяют ИЗ открытых И закрытых водоемов, подземных вод, колодцев, питьевой воды, сточных вод.



Прямым следствием распространения перспнии в животноводческих хозяйствах является обсеменениость продуктов животноводства: молока (1,0-6,0%), мяса (1,0-6,0%), тушек цыплят (2,0-12,0%), поверхности яиц (0,5-8,0%) (Ющенко Г. 13., Дунаев В. И., 1987).

Существующие методы классического бактериологического анализа предусматривают выделение чистых культур на селективных питательных средах, с последующей их видовой идентификацией, что делает эти анализы длительными и трудоемкими (Скурихип И.М., Тутельян 13A, 1981; Сеитханова Б.Т., 2000; Miller et. al., 1991).

Кроме того, влияние различных факторов может, приводить к L-• трансформации в популяции микроорганизмов и появлению L-форм, которые трудно быстро выявить с помощью классических бактериологических методов (Прозоровский С.В. и др. 1981; Павлова И.Б. 2001).

Наиболее перспективными-В плане чувствительности И специфичности индикации и идентификации микроорганизмов себя методы генной диагностики (ДНК-гибридизация, амплификация генов) (Блохина И.Н., Леванова Г.Ф., 1976; Антонов А. С. и др., 1980; Дрыгин Ю.Ф. и др., 1992; Долгов В.А. и др., 1997; Панин А.Н. и др., 1997; Лысенко А.М.Суходолец В.В., 1999; Обухов И.Л., Яковенко М.В., 2000; Шаров А.Н. и др., 2000; Смирнов А.М. и др., 2001; Palva A.A., 1983; Erlich H.A., 1989; Haschimolo J. et. al., 1995; Loprestia D. et. al., 1997). Они позволяют выявлять микроорганизмы в смешанных культурах, обнаруживать L-формы бактерий и дифференцировать патогенные культуры от непатогенных (Гинцбург А.А., 1998; Воробьев А.А. и др., 2000; Falkow S., Moseley S., 1982; Hill W., Modelen J., 1983; Moseleu S.A., Hyg J., 1989; Rifai S. et. al., 1989; Juk J.M. et. al;1993; Jouie M. et. al., 1994; Chen Shy et. al., 1998).

В настоящее время, несмотря на определенные достижения в этой области,, разработка методов и тест-систем ускоренной индикации Y. enterocolitica.в продуктах и кормах на основе ДНК-диагностики остается

одной из важных задач ветерннарно-саннтарного контроля. Актуальным является адаптация методов к конкретным объектам и дифференциация патогенных форм бактерий.

<u>Цель и задачи исследование».</u> Целью исследований являлась разработки методов и тест-систем ускоренной индикации Y. enterocolitica в кормах и мясных продуктах на основе ДНК-диагностики.

В залачи исслелований вхолило:

- разработать тест-систему индикации Y.enterocolitica на основе 11ЦР;
 разработать методы и тест-системы индикации Y.enterocolilica с использованием ДНК-зондов, меченных биотипом и тритием;
- разработать метод индикации патогенных штаммов Y. enterocolitica с использованием плазмидной ДНК;
- провести оценку методов и тест-систем ДНК-диагностики для выявления Y. enterocolitica при мониторинге кормов и мясных продуктов.

Научная новизна. Разработаны тест-системы, индикации Y.enterocolitica в кормах и мясных продуктах: с использованием ДНК-зондов, меченных биотипом, и ПЦР; разработана методика индикации вирулентных штаммов Y. enterocolilica с использованием плазмидной ДНК; разработана методики индикации патогенных и непатогенных штаммов Y. enterocolitica на основе амплификации и ДНК-гибридизации.

<u>Практическая ценность</u>. На основании результатов исследований разработаны:

- Методические указания по индикации Y. enterocolitica методом полимеразной цепной реакции (утверждены-Департаментом ветеринарии МСХ РФ, 14.09.2000 г. № 13-5-2/196).
- Методические рекомендации по индикации Y. enterocolitica в продуктах и кормах на основе ДНК-диагностики (утверждены Отделением ветеринарной медицины РЛСХН 18. 03. 2004 г).

<u>Апробация работы.</u> Материалы диссертации доложены и обсуждены на:

- Всероссийской научно-производственной конференции «Разработка и освоение производства нового поколения лекарственных средств для животных и их применение в ветеринарии» (Ставрополь, 2000);
- Международной конференции молодых ученых «Научные основы производства ветеринарных биологических препаратов» ВНИИТиБП РЛСХН (Щелково, 2000 г.);
- Международной конференции молодых ученых «Научные основы технологии производства ветеринарных биопрепаратов» ВНИИТиБП. РЛСХН (Щелково, 2001 г.);
- Международной научной конференции «Биотехнология на рубеже
 двух тысячелетий» (Саранск, 2001 г.);
 - заседаниях Ученого совета ВНПНВСГЭ (2000-2004 г.);
 - межлабораторном совещании ВНИИВСГЭ (2004 г.).

<u>Публикации.</u> Результаты исследований отражены в 7 научных статьях.

<u>Структура и объем работы</u>. Диссертация состоит из введения, обзора литературы, собственных исследований, обсуждения результатов, выводов, предложений для практики, списка использованной литературы и приложении.

Диссертация изложена на 111 страницах машинописного текста, содержит II таблиц и 7 рисунков. Список литературы включает 142 источников отечественных и зарубежных авторов.

2. СОБСТВЕННЫЕИССЛЕДОВАНИЯ

2.1.Материалы и методы исследований. Работа проводилась в период с 1999 по 2004 гг. на основании плана научно-исследовательских работ ВНИИВСГЭ и является частью разделов 05.02.12.1, 05.02.8.2, 05.02.8.12. Экспериментальная часть выполнена в лаборатории санитарной микробиологии и в отделе сертификации ВНИИВСГЭ.

Праймеры получали на базе Центра пренатологии, акушерства и гинекологии РАМН.

Объектами исследовании служили образцы кормов и мясной продукции, отобранные для мониторинговых и сертификационных испытаний, а также экспериментальные образцы, искусственно контаминированные микроорганизмами.

В работе использовались непатогенные и патогенные штаммы Yersinia enterocolitica, содержащие плазмиду вирулентности, а также культуры Yersinia pseudotuberculosis, Escherichia coli, Proteus vulgaris, Salmonella dublin, Salmonella enteritidis.

Выделение и очистку ДНК, постановку реакции гибридизации проводили по Маниатису Т. (1984). Получение ДНК-зондов и их мечение биотипом или тритием осуществляли в полимеразной цепной реакции, а также в реакции ник-трансляции.

Радиоактивность фильтров с гибридными молекулами определяли в жидкостном сцинтнлляционном счетчике «LKB» (Швеция) в НИИ физико-химической биологии им. А.Н. Белозерского МГУ им. М.В. Ломоносова.

• Интенсивность окрашивания фильтров с гибридными молекулами определяли визуально.

Выделение иерсиний бактериологическим методом осуществляли согласно руководства «Лабораторная диагностика псевдотуберкулеза и иерсипиоза» (Ценева Г.П., 1997).

Экспериментальные данные подвергали статистической обработке по Стыоденту.

2.2 Результаты исследовании

2.2.1 Разработка тест-системы индикации Y. enterocolitica на основе ППР

На первом этапе исследовании была разработана тест-система для индикации псрспннп в кормах и мясных продуктах, которая включает этапы элюнровапия и концентрирования бактерии с помощью дифференциального центрифугирования и этапы индикации на основе реакции амплификации с применением набора для выделения ДНК с лизпрующим реагентом гуанндинтиоизоционатом и сорбентом NucleoS™, набора для постановки ПЦР и реагентов для детектирования амплифицированной ДНК с помощью электрофореза в агарозном геле. Для индикации искомых микроорганизмов коитампнпрованные иерснниямп образцы кормов и мясопродуктов измельчали, гомогенизировали и бактерии элюировали физиологическим раствором. Очистку от клеточного дебрнса и концентрирование бактерий осуществляли дифференциальным центрифугированием.

Гуанидиптиоизоционат способствовал лизису клеток, солюбилизации клеточного дебриса, а также денатурации клеточных нуклеаз. В присутствии гуанйдинтиоизоционата ДНК активно связывается с сорбентом NucleoSTM, входящим в состав набора, затем легко отмывается от белков и солен спиртовым раствором. Элюированная из сорбента ЭкстраГеномTM ДНК в дальнейшем была использована памп в Π UP.

При разработке тест-системы в качестве праимеров использовали нуклеотидные последовательности ДНК Y.enterocolitica:

Kwaga 38 (5'-GAACTCGATGATAACTGGG-3') и Feng 19 (5'-GGAGTATTCATATGAAGCGTC-3^{*}).

В результате исследований были отработаны параметры полимеразной цепной реакции с использованием данных праимеров. Оптимальные режимы проведения амплификации для соответствующих этапов были следующими:

1) денатурация - 95° C; 2) отжиг - 55° C; 3) элонгация - 72° C. Время проведения каждого этапа равнялось 30 секундам. Число циклов -35.

После проведения ПЦР с выделенными матричными ДНК и указанными праймерами полоса амплифнката наблюдалась только в реакционной смеси, содержащей ДНК Y.enterocolitica. В системах с ДНК других бактерий амплификация не проходила. Полученные данные свидетельствовали о специфичности выбранных праймеров для индикации Y.enterocolitica.

Подобранные праймеры использовали для индикации Y.enterocolitica в искусственно контамннировапных образцах кормов, мяса и мясных продуктов. Чувствительность индикации Y.enterocolitica с помощью разработанной тест-системы составляла 10-100 клеток в пробе без предварительного обогащения (табл.1.)

Таблица 1

Чувствительность индикации Y.enterocolitica методом ПЦР

Разведение культуры	Концентрация	Результаты ПЦР
Y.enterocolitica B	Y. enterocolitica КОЕ/мл	
физрастворе		
Исходное ,	1,2x10 ⁸	+
10-1	1,0x10 ⁷	+
10 -2	1,3×10 ⁶	+
10 ⁻³	1,2×10 ⁵	+
10-4	1,1×10 ⁴	+
10-5	1,4x10 ³	+
10 -6	1,1x10 ²	+
10 -7	10	+ `
10 -8	. •	-

^{(+) -} наличие полосы амплификации

^{(-) -} отсутствие полосы амплификации

<u>2.2 2 Разработка методов и тест-систем индикации Y.enterocolitica с</u> использованием генных зондов

При разработке методов и тест-систем индикации Y.enterocolitica генные зонды получали и метили тритием или биотипом в полимеразной цепной реакции с использованием выбранных праймеров и меченых дезоксипуклсозпдтрифосфатов.

В случае тритиевой метки из проб, искусственно контаминированных Y.enterocolitica. выделяли бактериальные, клетки, которые обрабатывали лизоцимом и протеииазой. Затем проводили термическую денатурацию ДНК и иммобилизовали на мембранные фильтры с диаметром пор 0,45мкм. После проведения гибридизации с И³ ДНК - зондом, фильтры отмывали от неспецифической сорбции стандартно-солевым раствором радиоактивность фильтров определяли на жидкостном сцинтилляционном счетчике. В качестве отрицательных контролен использовали аналогичные продукции, образцы коитаминированные близкородственными микроорганизмами, а также пустые фильтры.

При использовании ДНК-зондов, меченных биотипом, после лизиса клеток проводили депротеинизацию додецилсульфатом натрия и хлороформом. ДНК осаждали этанолом и денатурировали тепловой обработкой. Затем ДНК иммобилизовали в виде точек на мембранные фильтры, проводили гибридизацию и реакции с конъюгатом, субстратом и красителем. Результаты оценивали по интенсивности окрашивания точек с гибридными молекулами ДНК.

Как показали исследования, с помощью ДНК-зондов удается определять Y. enterocolitica в исследуемых образцах. При этом специфичность анализа позволяет проводить индикацию Y.enterocolitica в бактериальных смесях (табл. 2).

Таблица 2 Результаты определения специфичности индикации Y. enterocolitica методом гибридизации с ДНК-зондами, меченными тритием и биотипом

	Результаты гибридизации		
	С тритиевой меткой	С биотиновой меткой	
Бактерия – контаминант	Имп/мин –	Интенсивность	
	контроль сорбции	окрашивания .	
Y.enterocolitica	253 <u>+</u> 11	+++	
Смесь Y.enterocolitica,	262 <u>+</u> 14	+++	
Y.pseudotuberculosis, S.		÷	
enteritidis, E.coli, Proteus	•		
vulgaris (1:1:1:1:1)			
Смесь Y.pseudotuberculosis,	0		
S. enteritidis, E.coli, Proteus			
vulgaris (1:1:1:1)			
S. enteritidis	. 0	-	
Proteus vulgaris	0	-	
E.coli	0		
Y.pseudotuberculosis	0	-	

В таблице 3 представлены данные о чувствительности ДНК - гибридизации с использованием зондов, меченных биотипом и тритием.

Таблица 3 Результаты определения чувствительности индикации Y. enterocolitica методом ДНК - гибридизации

Разведение культуры Ү.	Контаминация	Результаты гибридизации		
enterocolitica в физрастворе	Y. enterocolitica КОЕ/мл	Зонд с тритиевой меткой	Зонд с биотиновой меткой	
	and the second s	Имп/мин – контроль	Интенсивность окрашивания	
		сорбции		
Исходное	1,3x10 ⁸	1572 <u>+</u> 43	++++	
10-1	1,1x10 ⁷	768 <u>+</u> 28	++++	
10-2	1,2x10 ⁶	354 <u>+</u> 11	+++	
10 ⁻³	1,3x10 ⁵	193 <u>+</u> 7	++	
10-4	1,2x 10⁴	67 <u>+</u> 3	+	
10.5	1,1x10 ³	62 <u>±</u> 4		
· 10 ⁻⁶	1.2×10^2	64 <u>+</u> 2	-	
10 ⁻⁷	10	58 <u>+</u> 4		
Контроль*		55 <u>+</u> 3	-	

Контроль - культура E.coli 10 КОЕ/мл

Чувствительность методики с трптиевыми ДНК-зондами составляла 10^{5} клеток в пробе. Время анализа - 6-8 часов.

Чувствительность методики с биотинилированными ДНК-зондами равнялась 10^4 клеток в пробе. Время анализа - 8-12 часов.

Чувствительность индикации была на два - три порядка ниже, чем при использовании методики ПЦР.

Предварительное обогащение Y. enterocolitica при 4" С в течение 24 часов позволяло повысить чувствительность индикации ДНК- зондами до 10 - 100 клеток в пробе.

На следующем этапе была разработана тест-система индикации Y. enlerocolitica с использованием ДНК-зондов, меченных биотипом.

В комплект входят реагенты для выделения, денатурации и иммобилизации ДНК, постановки реакции гибридизации, отмывки от неспецифической сорбции, проведения реакций с конъюгатом, субстратом и красителем, а также положительный и отрицательный контроли, мембранные нитроцеллюлозные фильтры. Набор рассчитан на проведение 80 анализов и имеет срок хранения один год.

Для определения ДНК применяли слособ точечной гибридизации (доггибридизации) нуклеиновых кислот на твердой фазе с использованием ДНКзонда, меченного биотипом.

Из исследуемых образцов выделяли суммарную ДНК. Суммарную ДНК, находящуюся в растворе, ДНК контрольного положительного и ДНК контрольного отрицательного образцов денатуририровали кипячением и фиксировали на нитроцеллюлозном фильтре. Иммобилизованные ДНК гибридизовали с предварительно денатурированными биотинилированными ДНК-зондами. Не связавшиеся зонды удаляли путем отмывок фильтра. На следующем этапе фильтр обрабатывали конъюгатом стрептавидинфосфатазой. На заключительном этапе вносили растворы субстрата и красителя. Окрашивание соответствующих точек свидетельствовало о наличии искомой ДНК в исследуемом материале.

2.3.1. Разработка методик индикации патогенных штаммов Y.enterocolitica с использованием плазмидной ДНК

Значительная биохимическая, антигенная и экологическая неоднородность этой группы микроорганизмов, их антигенные связи с другими энтеробактериями и различия в патогенности существенно осложняют оценку этиологическою и эпидемиологического значения выделяемых штаммов иерсинии.

Известно, что патогенные свойства иерсинии частично контролируются генами плазмиды рҮ V (Grant T. et al., 1998; Koornhof H.J., 1999).

У большинства патогенных штаммов содержится плазмида вирулентности рYV (ГШ). Создана отечественная коллекция ПВ+ и П13- штаммов возбудителя, перспнноза основных сероваров (03,09 и др.). Разработан диагностический препарат-агглютинирующие, сыворотки СВИ для серологической идентификации патогенных иерсинии (Смирнов И.В., 1992).

При разработке метода дифференциации патогенных и непатогепных штаммов Y.enterocolitica плазмидную ДНК выделяли щелочным методом, после подращивания культуры. Плазмидную ДНК метили биотипом или тритием в реакции ник-трансляции.

При использовании тритиевой метки дифференциацию штаммов проводили па основе методики гибридизации колоний. Исследуемые пробы переносили на ннтроцеллюлозные фильтры, которые помещали на питательную среду и инкубировали до образования отдельных колоний, как предусмотрено методикой бактериологического анализа. Далее фильтры помещали на стопку фильтровальной бумаги, смоченной растворами для лизиса клеток, депротеиннзацни, щелочной денатурации и иммобилизации ДНК. Гибридизацию проводили с меченой плазмидной ДНК в присутствии декстрансульфата в течение 8-12 часов.

После гибридизации осуществляли отмывку от несиецифической сорбции. Радиоактивность гибридных молекул ДНК на фильтрах определяли в жилкостном спинтилляционном счетчике.



Рис. 1 Схема индикации патогенных штаммов методом гибридизации с плазмидными ДНК- зондами

В случае использования биогиннлированых зондов колонии суспендировали в лизнрующем буфере, ДНК очищали с помощью пролазы, проводили тепловую денатурацию и иммобилизовали на мембранные нитроцеллюлозные фильтры в виде точек. Гибридизацию с биотинилировапным ДНК-зондом и регистрацию конечного результата проводили, как описано выше.

Результаты гибридизации показали возможность индикации патогенных штаммов Y.enterocolitica.

Y.enterocolitica Метолика индикации патогенных штаммов использованием в качестве зондов плазмидной ДНК обладает высокой . специфичностью и чувствительностью, не требует сложного оборудования, однако несколько длительна во времени. Эго связано с необходимостью подращивания культуры бактерий и увеличением времени гибридизации до 12 из-за малых концентраций плазмидной ДНК. vсовершенствования была разработана метолика vскоренной дифференциации патогенных и непатогенных штаммов Y.enterocolitica на основе амплификации и ДНК-гибридизации.

Бактерии элюировали из искусственно контаминированных образцов, концентрировали 'с помощью дифференциального центрифугирования, ЛНК клетки лизнровалн И выделяли суммарную помошью гуанидинизоционата. Далее проводили амплификацию ДНК методом рассеянной затравки в присутствии меченных тритием или биотипом дезокеппуклеозидтрифосфатов. Меченную амплифицированную ЛНК гибридизовали с предварительно иммобилизованными на фильтрах ДНК специфичных Y.enterocolitica ампликонов или плазмидной ДНК Y.enterocolitica, а также с хромосомными ДНК других Гибридизация проходила только в гомологичных системах, содержащих аналогичные ДНК в исследуемых бактериях и иммобилизованные на фильтрах ДНК-зонды.

Таким образом, разработанная методика на основе амплификации методом рассеянной затравки с последующей гибридизацией со специфичными ДНК-зондами позволяет проводить индикацию Y.enterocolitica и дифференцировать патогенные и непатогенные штаммы. Чувствительность анализа детерминируется амплификацией и составляет 10-100 клеток в пробе. Время анализа 8 часов.

2.3.3 Оценка методов и тест-систем ДНК-диагностики для выявления Y.enterocolitica при мониторинге кормив и мясной продукции

Как было отмечено, иерсинии относятся к'группе патогенных для человека и животных микроорганизмов, которые могут длительное время существовать и развиваться в окружающей среде: в воде, почве, растениях (Емельяненко Е.Н., 1997). Показано, что в ряде случаев термически необработанные зеленые овощи явились причиной вспышек заболеваний, вызываемых иерсиниями (Шубин Ф.Н., 1993).

Установлено, что иерсинии могут колонизироваться на растениях, прикрепляясь к ним или проникая внутрь (Венедиктов В.С., и др., 1989). Иерсинии не только сохраняются, но и успешно размножаются как на поверхности, так и внутри растений (Марков И.С., 1989). Бактериологический анализ суспендированных в физиологическом растворе мокрицы и пастушьей сумки позволил выделить культуры Y.enterocolitica в концентрации 1000 КОЕ/г зеленой массы, при отрицательных результатах посевов поверхностных смывов с растений.

Наличие психрофильных свойств позволяет иерсиниям накапливаться при хранении кормов при низких или постоянно меняющихся температурах и определяет возможность заражения через них животных и человека.

В качестве зеленых кормов мы использовали проращенную смесь семян травы, предназначенную для кошек и котят. Как следовало из

инструкции к корму, в емкость с семенами и субстратом для роста травы вносили дистиллированную воду до полного смачивания. Затем субстрат с семенами переносили в пластмассовые емкости. В одну из них вносили суспензию суточной культуры Y. enterocolitica в концентрации 106 KOE/мл. Для контаминации использовали штамм Y. enterocolitica 09, содержащий специфическую плазмиду вирулентности. Проба без контаминантов служила контролем. После достижения величины травяного покрова 4-6 см корни и побеги отдельно гомогенизировали в ступках с буферным раствором и определяли наличие иереннин метолами ДНК-диагностики микробиологическим методом. Анализ контаминации частей растении проводили как непосредственно после взятия образца, так и после обогащения материала путем выдерживания суспензий отдельных частей растений в течение пяти дней при А'С. В качестве методов ДНК-диагностики применяли полимеразную цепную реакцию (ПЦР) и ДНК-гибридизацию.

Полоса амплификации и гибридные молекулы обнаруживались только в объектах, содержащих ДНК Y.enterocolitica, что указывает на специфичность выбранных праймеров и ДНК-зондов для индикации.

При этом ПЦР - анализ позволял выявлять искомую ДНК в нативном материале, а методы ДИК-гибридизации только после обогащения материала в течение 24 часов при 4°C.

Незначительные различия в результатах индикации Y.enterocolitica в корнях и побегах можно объяснить тем, что в корнях содержится суммарная фракция бактерий, включающая помимо эндогенных бактерий, экзогенную контаминацию за счет остатков среды для роста растений.

Результаты ДНК-диагностики коррелировали с данными микробилогического анализа.

Анализ результатов свидетельствовал о том, что трудность в обнаружении Y.enterocolitica в кормах может быть объяснена незначительными концентрациями бактерий. Однако, при благоприятных условиях, например, при длительном хранении кормов при низких

температурах, происходит значительное накопление бактерий и вследствие этого можно проводить индикацию Y.enterocolitica методами ДНК-гибридизации.

Полученые нами данные свидетельствуют о корреляции результат» исследования при использовании тест-систем на основе ДНК-диагностики и микробиологического метода обнаружения Y. enterocolitica в кормах, мясе и мясных продуктах. При этом время индикации Y. enlerocolitica с использованием разработанных тест-систем составляло 6-12 часов, что на порядок меньше бактериологического метода индикации данных бактерий.

Таким образом, тест-системы на основе ДНК-диагностики позволяют проводить индикацию и идентификацию Y. enterocolitica с высокой чувствительностью и специфичностью и не требуют предварительного выделения чистых культур. При этом время исследования значительно сокращается по сравнению с существующим бактериологическим методом, что дает основание рекомендовать методы ДНК-диагностики для практического использования при ветерннарно-санитарной экспертизе и сертификационных испытаниях мяса, мясопродуктов и кормов.

ВЫВОДЫ

- 1. Разработаная тест-система индикации Y. enterocolitica в кормах и мясных продуктах, включающая набор для выделения ДПК с лизирующим реагентом гуанидинтиоизоционатом и сорбентом NucleoS $^{\text{тм}}$, набор для постановки ПЦР и реагенты для детектирования амилифицированной ДНК с помощью электрофореза в агарозном геле, позволяют выявлять искомые бактерии в присутствии близкородственных видон бактерий с чувствительностью $10\text{-}10^2$ клеток в пробе в течение 6-8 часов бе) предварительного обогащения.
- 2. Разработанная методика индикации Y. enterocolilica в кормах и мясных Продуктах с использованием ДНК-зондов, меченных тритием, включающая этапы дифференциального центрифугирования для концентрирования бактерий, лизиса клеток с использованием лизоцима,

лепротспнмзацмп додсцилсульфатом натрия и протеиназой, гибридизации на фильтрах и детектирования гибридных молекул жидкостной сцинтилляцией, позволяет проводить индикацию 10⁵ микробных клеток в пробе за 6-8 часов.

- 3. Разработанные методика и тест-система индикации Y. enterocolilica в кормах и мясных продуктах с использованием ДНК-зондов, меченных биотипом, включающая реагенты для лизиса клеток, депротеинизации ДНК додецилсульфатом натрия и хлороформом, постановки реакции точечной гибридизации, реакции с коньюгатом, субстратом и красителем на фильтрах и детектирования гибридных молекул по интенсивности окрашивания позволяет проводить индикацию с чувствительностью!О⁴ клеток в пробе за 8-. 12 часов.
- 4. Предварительное обогащение культуры Y. enterocolitica при 4° C в течение 24 часов позволяет повысить чувствительность индикации ДНК-зомдами до 10 100 клеток в пробе.
- 5. Разработана методика на основе гибридизации колоний иерсиний с нлазмидой pYV, позволяющая выявлять патогенные штаммы Y. enterocolitica в течение 48 часов.
- 6. Разработана методика на основе ампплификации с помощью рассеянной затравки с мечеными дезоксннуклеозндтрифосфатами и последующей гибридизацией с иммобилизованными ДНК-зондами плазмидиых и хромосомных ДНК. Методика позволяет одновременно устанавливать наличие Y. enterocolitica и дифференцировать патогенные и непатогенпые штаммы в течение 8 часов без предварительного обогащения материала. Чувствительность анализа составляет 10-100 клеток в пробе.
- "7. Высокая чувствительность и специфичность, корреляция с результатами бактериологического метода обнаружения иерсиний, значительное сокращение продолжительности анализа позволяют рекомендовать разработанные методы и тест-системы ДНК-диагностики для проведения мониторинговых исследований кормов и мясной продукции.

ПРЕДЛОЖЕНИЯ ДЛЯ ПРАКТИКИ

Для использования п научно-исследовательских учреждениях и диагностических ветеринарных лабораториях могут быть рекомендованы разработанные :

- Методические указания по индикации Y. cnlerocolilica методом иолнмеразной цепной реакций (утверждены Департаментом ветеринарии МСХ РФ, $14.09.2000 \, \Gamma$, № 13-5-2/196);
- Методические рекомендации по индикации Y. enterocolitica в продуктах и кормах на основе ДНК-диагностики (утверждены Отделением ветеринарной медицины РАСХН, 18.03.2004 г.).

СПИСОК ОПУБЛИКОВАННЫХ РАБОТ

- 1. Светличкин О.В. Разработка тест-систем обнаружения Y. enterocolitica с использованием полимеразной цепной реакции и ДНК-зондов //Тезисы докладов Всероссийской научно-практической конференции, посвещенной 30-летию института «Научные основы производства ветеринарных биологических препаратов», Щелково, 2000, стр. 388.
- 2. Коионенко А.Б., Бритова СВ., Светличкин О.В., Белоусов А.В. Проблема иерсиниоза и пути совершенствования диагностики //Тезисы докладов Всероссийской научно-практической конференции, посвещенной 30-летию института «Научные основы производства ветеринарных биологических препаратов», Щелково, 2000, стр. 386-387.
- 3. Орлов А.В., Светличкин О.Д., Макаров М.М., Белоусов В.И., Светличкин В.В. Методы генной диагностики при ветсанэкспертизе и сертификации продовольственного сырья и пищевых продуктов // Материалы Всероссийской научно-производственной конференции «Разработка и освоение производства нового поколения лекарственных

средств для животных н их применение в ветеринарии», Ставрополь, 2000, стр. 89.

- 4. Соетличюп! В.В., Кононенко А.Б., Доля Е.А., Мамаев М.А., Денисова П.А., Горяннова Г.М., Светличкин О.В., Макаров М.М. Тестсистемы и технические средства ДНК-дпагностикп объектов встерииарпо-саннтариого и экологического контроля // Материалы Международной научной конференции «Биотехнология на рубеже двух тысячелетий», Саранск, 2001, стр. 138-140.
- 5. Светличкип О.В., Кононенко А.Б., Светлнчкйн В.В., Белоусов В.И. Индикация и идентификация иерспний в объектах ветсринарпосапитарного контроля // Сборник докладов Международной конференции молодых ученых «Научные основы производства ветеринарных биологических препаратов», Щелково, 2001, стр. 191-197.
- 6. Светлпчкин О.В. Индикация нерсинпй в зеленых кормах методами Д! ІК-дпагностики // Сборник трудов ВІИППВСГЭ "Проблемы ветеринарной санитарии, гигиены и экологии", Москва, 2003,тД15,стр.184-188.
- 7. Кононенко А.Б., Бритова СВ., Бровкина А.Н., Светличкип О.В. Видовой состав микрофлоры кишечника птицы, персистенция иерсиний и степень распространения этих бактерий в птицеводческих хозяйствах // Сборник трудов ВМИИВСГЭ "Проблемы ветеринарной санитарии, гигиены и экологии", Москва, 2003,т. 115,стр.93- 99.

ВИИИВСГЭ. г. Москва, Звенигородское шоссе, 5 Заказ 90/1 Тираж 80 экз.