**Цуканов Антон Витальевич. Мультимодельный подход к эффективному картированию сайтов связывания транскрипционных факторов по данным ChIP-seq экспериментов;[Место защиты: ФГБНУ «Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук»], 2023**